

Db	1	CTCTGCGGGCCGCGGGTGC	59
Qy	72	CTGCTCTCGGCTCCCCACCCCTCTCCCTTCCCTCTCTCCCTTGCCCTCCCCTCCTCTG	131
Db	60	CTGCTCTCGGCTCCCCACCCCTCTCCCTTCCCTCTCTCCCTTGCCCTCCCCTCCTCTG	119
Qy	132	CAGCGCTGCATTATTTTCTGCCCGCAGGCTCGGCTTGCACTGCTGCTGCAGCCCGGGGA	191
Db	120	CAGCGCTGCATTATTTTCTGCCCGCAGGCTCGGCTTGCACTGCTGCTGCAGCCCGGGGA	179
Qy	192	GGTGGCTGGGTGGGTGGGAGGAGACTGTGCAAGTTGTAGGGAGGGGGTGCCCTCTTCT	251
Db	180	GGTGGCTGGGTGGGTGGGAGGAGACTGTGCAAG-TGTAGGGAGGGGGTGCCCTCTTCT	238
Qy	252	TCCCGCTCCCTTCCCGCGCAACTCTTCCCTTCTTCTCCCTTTTCCCTCCCAGCC	311
Db	239	TCCCGCTCCCTTCCCGCAGCAAGTGGTTCCTTCTTCTCCCTTTTCCCTCCCAGCC	298
Qy	312	CCCACCTTCTTCTCTCTTTCGGAAGGACTGGTAACTTGTGTCGGAGCGAAGCGCGCG	371
Db	299	CCCACCTTCTTCTCTCTTTCGGAAGGCTGGTAACTTGTGTCGGAGCGAA-----	350
Qy	372	GCGCGCGCGCGCGGCACCATCCAGCGGGCACCATTGGGCAGTCCGCGCTCTGGGCGC	431
Db	351	-CGGCGCGCGCGCGGCACCATCCAGCGGGCACCATTGGGCAGTCCGCGCTCTGGGCGC	409
Qy	432	TCTGGCTGCTGCTCGCGCTGTGCTGGGCGCCCCGGGAGAGCGCGCCACCGGAACCGGA	491
Db	410	TCTGGCTGCTGCTCGCGCTGTGCTGGGCGCCCCGGGAGAGCGCGCCACCGGAACCGGA	469
Qy	492	GAAAGCCAAATGTGAACCTCCCAATTCAGTGCACAAATGGTCGCTGATTACGCTGT	551
Db	470	GAAAGCCAAATGTGAACCTCCCAATTCAGTGCACAAATGGTCGCTGATTACGCTGT	529
Qy	552	TGTGGAATGTGATGGGGATGAAGACTGTGTTGACGGCAGTGATGAAAGAACTGTGTAA	611
Db	530	TGTGGAATGTGATGGGGATGAAGACTGTGTTGACGGCAGTGATGAAAGAACTGTGTAA	589
Qy	612	AGAAGACGTGTGCTGAATCTGACTTCGTGTGCAACAATGGCCAGTGTGTTCCAGCCGAT	671
Db	590	AGAAGACGTGTGCTGAATCTGACTTCGTGTGCAACAATGGCCAGTGTGTTCCAGCCGAT	649
Qy	672	GGAAGTGTGATGGAGATCCTGACTGCGAAGATGGTTTCAGATGAAAGCCAGAACAGTGCC	731
Db	650	GGAAGTGTGATGGAGATCCTGACTGCGAAGATGGTTTCAGATGAAAGCCAGAACAGTGCC	709
Qy	732	ATATGAGAACATGCCGCATACATGAAATCAGCTGTGGCGCCATTCTACTCAGTGATATCC	791
Db	710	ATATGAGAACATGCCGCATACATGAAATCAGCTGTGGCGCCATTCTACTCAGTGATATCC	769
Qy	792	CAGTGTCTGGAGATGTGATGGTGAAATGATTGTGACAGTGAGAAGATGAAGAAAAC	851
Db	770	CAGTGTCTGGAGATGTGATGGTGAAATGATTGTGACAGTGAGAAGATGAAGAAAAC	829
Qy	852	GTGGCAATATAACATGTAGTCCCAGCAGGTTACCTGTCTCCAGTGGCCGCTGCATCTCCA	911
Db	830	GTGGCAATATAACATGTAGTCCCAGCAGGTTACCTGTCTCCAGTGGCCGCTGCATCTCCA	889
Qy	912	GGAACCTTGTATGCAATGGCCAGGATGACTGCAGCGATGGCAGTGATGAGCTGGACTGTG	971
Db	890	GGAACCTTGTATGCAATGGCCAGGATGACTGCAGCGATGGCAGTGATGAGCTGGACTGTG	949

Qy	972	CCCCGCCAACCTGTGGCGCCCATGAGTTCAGTGCAGCACCTCCTCTGCATCCCCATCA	1031
Db	950	CCCCGCCAACCTGTGGCGCCCATGAGTTCAGTGCAGCACCTCCTCTGCATCCCCATCA	1009
Qy	1032	GCTGGGTATGCGACGATGATGCAGACTGCTCCGACCAATCTGATGAGTCCCTGGAGCAGT	1091
Db	1010	GCTGGGTATGCGACGATGATGCAGACTGCTCCGACCAATCTGATGAGTCCCTGGAGCAGT	1069
Qy	1092	GTGGCCGTGACGCAGTCATACACACCAAGTGTCCAGCCAGCGAAATCCAGTGGGCTCTG	1151
Db	1070	GTGGCCGTGACGCAGTCATACACACCAAGTGTCCAGCCAGCGAAATCCAGTGGGCTCTG	1129
Qy	1152	GCGAGTGCATCCATAAGAAGTGGCGATGTGATGGGGACCTGACTGCAAGGATGGCAGTG	1211
Db	1130	GCGAGTGCATCCATAAGAAGTGGCGATGTGATGGGGACCTGACTGCAAGGATGGCAGTG	1189
Qy	1212	ATGAGGTCAACTGTCCCTCTCGAACTTGCCGACCTGACCAATTTGAATGTGAGGATGGCA	1271
Db	1190	ATGAGGTCAACTGTCCCTCTCGAACTTGCCGACCTGACCAATTTGAATGTGAGGATGGCA	1249
Qy	1272	GCTGCATCCATGGCAGCAGGCAGTGAATGGTATCCGAGACTGTGTCGATGGTTCGGATG	1331
Db	1250	GCTGCATCCATGGCAGCAGGCAGTGAATGGTATCCGAGACTGTGTCGATGGTTCGGATG	1309
Qy	1332	AAGTCAACTGC AAAAATGTCAATCAGTGCCTTGGGCCCTGGAAAATTC AAGTCAGAAAGTG	1391
Db	1310	AAGTCAACTGC AAAAATGTCAATCAGTGCCTTGGGCCCTGGAAAATTC AAGTCAGAAAGTG	1369
Qy	1392	GAGAATGCATAGATATCAGCAAAGTATGTAACCAGGAGCAGGACTGCAGGGACTGGAGTG	1451
Db	1370	GAGAATGCATAGATATCAGCAAAGTATGTAACCAGGAGCAGGACTGCAGGGACTGGAGTG	1429
Qy	1452	ATGAGCCCTTGAAAGAGTGT CATATAAACGAATGCTTGGTAAATAATGGTGGATGTTCTC	1511
Db	1430	ATGAGCCCTTGAAAGAGTGT CATATAAACGAATGCTTGGTAAATAATGGTGGATGTTCTC	1489
Qy	1512	ATATCTGCAAGACCTAGTTATAGGCTACGAGTGTGACTGTGCAGCTGGGTTTGAAGTGA	1571
Db	1490	ATATCTGCAAGACCTAGTTATAGGCTACGAGTGTGACTGTGCAGCTGGGTTTGAAGTGA	1549
Qy	1572	TAGATAGGAAAACCTGTGGAGATATTGATGAATGCCAAAATCCAGGAATCTGCAGTCAAA	1631
Db	1550	TAGATAGGAAAACCTGTGGAGATATTGATGAATGCCAAAATCCAGGAATCTGCAGTCAAA	1609
Qy	1632	TTTGATCAACTTAAAGGCGGTTACAAGTGTGAATGTAGTCTGGCTATCAAAATGGATC	1691
Db	1610	TTTGATCAACTTAAAGGCGGTTACAAGTGTGAATGTAGTCTGGCTATCAAAATGGATC	1669
Qy	1692	TTGCTACTGGCGTGTGCAAGGCAGTAGGCCAAGAGCCAAGTCTGATCTTCACTAATCGAA	1751
Db	1670	TTGCTACTGGCGTGTGCAAGGCAGTAGGCCAAGAGCCAAGTCTGATCTTCACTAATCGAA	1729
Qy	1752	GAGACATCAGGAAGATTGGCTTAGAGAGGAAAGAAATATATCCAAGTAGTTGAACAGCTAA	1811
Db	1730	GAGACATCAGGAAGATTGGCTTAGAGAGGAAAGAAATATATCCAAGTAGTTGAACAGCTAA	1789
Qy	1812	GAAACACTGTGGCTCTCGATGCTGACATTGCTGCCCAGAAACTATTCTGGGCCGATCTAA	1871
Db	1790	GAAACACTGTGGCTCTCGATGCTGACATTGCTGCCCAGAAACTATTCTGGGCCGATCTAA	1849

	1872	GCCAAAAGGCTATCTTCAGTGCCTCAATTGATGACAAGGTTGGTAGACATGTTAAATGA	1931
Db	1850	GCC-AAAAGGCTATCTTCAGTGCCTCAATTGATGACAAGGTTGGTAGACATGTTAAATGA	1908
Qy	1932	TCGACAAATGCTATAATCCTGCAGCCATTGCTGTTGATTGGGTGTACAAGACCATCTACT	1991
Db	1909	TCGACAAATGCTATAATCCTGCAGCCATTGCTGTTGATTGGGTGTACAAGACCATCTACT	1968
Qy	1992	GGACTGATGCGGCTTCTAAGACTATTTCAGTAGCTACCCTAGATGGAACCAAGAGGAAGT	2051
Db	1969	GGACTGATGCGGCTTCTAAGACTATTTCAGTAGCTACCCTAGATGGAACCAAGAGGAAGT	2028
Qy	2052	TCCTGTTTAACTCTGACTTGCAGAGCGCTGCCTCCATAGCTGTGGACCCACTGTCTGGCT	2111
Db	2029	TCCTGTTTAACTCTGACTTGCAGAGCGCTGCCTCCATAGCTGTGGACCCACTGTCTGGCT	2088
Qy	2112	TTGTTTACTGGTCAGACTGGGTTGAACCAAGTAAAAAGAAAAAGCAGGAATGAATGGAT	2171
Db	2089	TTGTTTACTGGTCAGACTGGGTTGAACCAAGTAAAAAGAAAAAGCAGGAATGAATGGAT	2148
Qy	2172	TCGATAGACGTCACCTGGTGACAGCGGATATCCAGTGGCTTAACGGAATTACACTTGACC	2231
Db	2149	TCGATAGACGTCACCTGGTGACAGCGGATATCCAGTGGCTTAACGGAATTACACTTGACC	2208
Qy	2232	TTATAAAAAGTCGCCCTCTATTGGCTTGATTCTAAGTTGCACATGTTATCCAGCGTGGACT	2291
Db	2209	TTATAAAAAGTCGCCCTCTATTGGCTTGATTCTAAGTTGCACATGTTATCCAGCGTGGACT	2268
Qy	2292	TGAATGGCCAAGATCGTAGGATAGTACTAAAGTCTCTGGAGTTCCTAGCTCATCCTCTTG	2351
Db	2269	TGAATGGCCAAGATCGTAGGATAGTACTAAAGTCTCTGGAGTTCCTAGCTCATCCTCTTG	2328
Qy	2352	CACTAACAAATATTGAGGATCGTGTCTACTGGATAGATGGGGAAAAATGAAGCAGTCTATG	2411
Db	2329	CACTAACAAATATTGAGGATCGTGTCTACTGGATAGATGGGGAAAAATGAAGCAGTCTATG	2388
Qy	2412	GTGCCAATAAAATTCACCTGGATCAGAGCTAGCCACTCTAGTCAACAACCTGAATGATGCC	2471
Db	2389	GTGCCAATAAAATTCACCTGGATCAGAGCTAGCCACTCTAGTCAACAACCTGAATGATGCC	2448
Qy	2472	AAGACATCATTGTCTATCATGAACCTTGTACAGCCATCAGGTAAAAATTGGTGTGAAGAAG	2531
Db	2449	AAGACATCATTGTCTATCATGAACCTTGTACAGCCATCAGGTAAAAATTGGTGTGAAGAAG	2508
Qy	2532	ACATGGAGAATGGAGGATGTGAATACCTATGCCTGCCAGCACCACAGATTAAATGATCACT	2591
Db	2509	ACATGGAGAATGGAGGATGTGAATACCTATGCCTGCCAGCACCACAGATTAAATGATCACT	2568
Qy	2592	CTCCAAAATATACCTGTCTCTGTCCAGTGGGTACAATGTAGAGGAAAAATGGCCGAGACT	2651
Db	2569	CTCCAAAATATACCTGTCTCTGTCCAGTGGGTACAATGTAGAGGAAAAATGGCCGAGACT	2628
Qy	2652	GTCAAA-----	2657
Db	2629	GTCAAAGTACTGCAACTACTGTGACTTTACAGTGAGACAAAAGATACGAACACAACAGAAA	2688
Qy	2658	-----GGATCAATGTGACCACAGCAGTATCAGAGG	2687
Db	2689	TTTCAGCAACTAGTGGACTAGTTCTCGAGGGGATCAATGTGACCACAGCAGTATCAGAGG	2748
Qv	2688	TCAGTGTTCCTCCAAAAGGACTTCTGCCGATGGGCCATTCTTCTCTCTTGCTCTTAG	2744

```

Db      2749  |||||
TCAGTGTTCCTCCCAAAAGGGACTTCTGCCGCGATGGGCCATTCTTCTCTCTTGCTCTTAG 2808

Qy      2748  TGATGGCAGCAGTAGGTGGCTACTTTGATGTGGCGGAATTGGCAACACAAGAACATGAAAA 2807
|||||

Db      2809  TGATGGCAGCAGTAGGTGGCTACTTTGATGTGGCGGAATTGGCAACACAAGAACATGAAAA 2868

Qy      2808  GCATGAACCTTTGACAATCCTGTGTACTTGAAACCACCTGAAGAGGACCTCTCCATAGACA 2867
|||||

Db      2869  GCATGAACCTTTGACAATCCTGTGTACTTGAAACCACCTGAAGAGGACCTCTCCATAGACA 2928

Qy      2868  TTGGTAGACACAGTGCTTCTGTTGGACACAGTACCCAGCAATATCAGTTGTAAGCACAG 2927
|||||

Db      2929  TTGGTAGACACAGTGCTTCTGTTGGACACAGTACCCAGCAATATCAGTTGTAAGCACAG 2988

Qy      2928  ATGATGATCTAGCTTGACTTCTGTGACAAATGTTGACCTTTGAGGTCTAAACAAATAATA 2987
|||||

Db      2989  ATGATGATCTAGCTTGACTTCTGTGACAAATGTTGACCTTTGAGGTCTAAACAAATAATA 3048

Qy      2988  CCCCCGTCGGAATGGTAACCGAGCCAGCAGCTGAAGTCTCTTTTTCTTCTCTCGGGCTGG 3047
|||||

Db      3049  CCCCCGTCGGAATGGTAACCGAGCCAGCAGCTGAAGTCTCTTTTTCTTCTCTCGGGCTGG 3108

Qy      3048  AAGAACATCAAGATACCTTTGCGTGGATCAAGCTTGTGTACTTGACCGTTTTTATATTAC 3107
|||||

Db      3109  AAGAACATCAAGATACCTTTGCGTGGATCAAGCTTGTGTACTTGACCGTTTTTATATTAC 3168

Qy      3108  TTTTGTAATAATTCTTGTCACATTCTACTTCAGCTTTGGATGTGGTTACCGAGTATCTG 3167
|||||

Db      3169  TTTTGTAATAATTCTTGTCACATTCTACTTCAGCTTTGGATGTGGTTACCGAGTATCTG 3228

Qy      3168  TAACCCCTTGAATTTCTAGACAGTATTGCCACCTCTGGCCAAATATGCACCTTTCCTAGAA 3227
|||||

Db      3229  TAACCCCTTGAATTTCTAGACAGTATTGCCACCTCTGGCCAAATATGCACCTTTCCTAGAA 3288

Qy      3228  AGCCATATTCAGCAGTGAAACTTTGTGCTATAGTGTATACCACTGTACATACATTGTAT 3287
|||||

Db      3289  AGCCATATTCAGCAGTGAAACTTTGTGCTATAGTGTATACCACTGTACATACATTGTAT 3348

Qy      3288  AGGCCATCTGTAATATCCCGGACAAAACGGGTACTAAGATGAAATTGCCAAAAAATT 3347
|||||

Db      3349  AGGCCATCTGTAATATCCGAGAACATCACTATTCTTAAGCACTTTGAAAAATATTTC 3408

Qy      3348  TAT 3350
|||

Db      3409  TAT 3411

```

<!--EndFragment-->